

Descripción del análisis de modelos lineales generalizados mixtos

También empleamos una distribución binomial, que resulta de gran utilidad para proporciones, como lo eran el número de especies animales nativas al total de especies mencionadas por cada individuo (por ejemplo, 4 nativas/8 especies nombradas=0.5), o al total de especies solicitadas en el cuestionario. Para los MLGM, cada distribución lleva una función de vínculo, que es “Logit” por defecto para una binomial. Ventajosamente, las proporciones son calculadas por el mismo programa, pudiéndose colocar el denominador de la cuenta anterior (número de especies nombradas) como “número de ensayos” durante el cálculo de los MLGM. Para ello debe existir una columna en la planilla de cálculo con el número de especies nombradas por cada estudiante). Puse a prueba la significancia de los factores fijos usando la estadística de Wald y el criterio de información de Akaike (CIA), que otorga un número que es más pequeño cuanto más parsimonioso es el modelo. Seleccioné el mejor modelo para cada variable analizada con un procedimiento que se denomina “hacia atrás” (*backward*); es decir, partiendo de un modelo con los dos factores fijos y su interacción, y luego quitando uno a uno los menos significativos (con un valor de “p” más alto). Para ello, el valor de significancia considerado fue de “p” ≤ 0.05 (5 %). Repetí este procedimiento hasta obtener el modelo con CIA más bajo. En el mismo cálculo habilité la opción de pruebas de comparación de medias *post-hoc* para aquellos factores con $p \leq 0.05$, usando el “test” de diferencias mínimas significativas (LSD, *Least Significant Difference*). Para ampliar sobre el procedimiento general de análisis y procesamiento de los datos, usted puede remitirse a la publicación de Campos et al. (2012).